

Other SIV  
Amino Acids

CONSENSUS_VER	...MDKGEeeq?vsHQDL...iegykkPL?tCtNKcfCKkCCYHCQlCFLqKGLGvTYHApRtRR..KKiasl?r?p?q?Q.SIStr?GRD?QtTqesQ?KVet?a?t??lgRKnL????r?avGA?A	100
VER_TYO	.....A-I.....S-D-Q--Q-K.....-R--NLA-L-H-....KW---G---PT--E---T-GSN	100
VER_155	.....D-D-----K-R--E-----F--R---I---F-----AD-I-VPO-----I-...S-----K---EQ-KANLRIS----GDET-GP---G	118
VER_3	.....D-GAY-----L-A-KR-----Y-C-----I---P-D-F-E-K-.....S---KG-E---S-R-APS-----AQQSGR-T--S	118
VER_963	.....RT-L-----R--T--R-----SVQPN-LSQ-D-.....G-A-----K---RETT-AQI----D-ERDK-E----N-	119
GRI_677	.....E-.PHPLL-----HR--QP-----Y-----E-----R--VS-K---TSTQDNQD-IRQ-....V.Q-NG---E-GKTE--	88
CONSENSUS_SAB	.....Qe?-aRpQVWEE-.....Q-EL?R-QA-d-t-y--?--f--?---??-A--Ic-YV--?--?s---.qnNkV-vHN.....	65
SAB_SAB1C	.....-QEQ-ARpQVWEE-.....Q-ELHR-QA-D-T---V--F--I---HK-A--IR-YV--P--AS---.-HNQVSLHN.....	73
SAB_D30	.....AQE-.AR.QVWEE-.....Q-ELQR-QA-D-P-Y-----S---TR-A--IC-YV--K--RA---.QNNKV-VHN	71
SAB_D42	.....QVR-GRpQVWEE-.....Q-ELRR-QA-N-T-Y--A--F--V---N--A--IC-YV-----HS---.QNNKV-VHN	73
TAN_TAN1	MESEGD.GMAES..LLQDL.....HRPLTPCTNKCFCKRCCYHCQVCFLQKGLGITYHVSRIIRP.KKNHNSHQNLVSSQ.SISA.WGGNSQTTQEEKTKIPAAAETSRRPQ	101
LHOEST_LHOEST	MQQPEQEQP IQKQ.HQDLMKETYNEAVTKALQACQNTCCCKCCFHCILCFQKGLGLHYVYVHRKRRRVTSI...LETQQD...PRTK...NSQTEKKRKEQIQRLSTST	101
SUN_SUN	...MSTQGHQDQ.DQG..KGTLEEAYKTNLEACDNKCWCRCRCCFHCQLCFLQKGLGIHYVYVYRGRQH.QSI.SKDKQEAARR.IGSRKPAPNPQTKKKKRQRKKESTST	102
SYK_SYK	MSS.TDQICQTQRVPPSFL.EGTFLE..KGPPTPC.NKCFCKNCCYHCQlCFLQKGLGITYARPRKRAA.RSI.SEDDSAPTGTLPARGTQANPQTKKKA...VETEKDSTSLPSAENL	110