

HIV2/SIV VPX

Protein Alignment Summary Table (Vpx)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
ROD	M15390	complete genome	Guyader,M.	Nature 326 (6114), 662-669 (1987)
NHIZ	J03654	complete genome	Zagury,J.F.	PNAS 85, 5941-5945 (1988)
ISY	J04498	complete genome	Franchini,G.	PNAS 86, 2433-2437 (1989)
ST	M31113	complete genome	Kumar,P.	J. Virol. 64, 890-901 (1990)
BEN	M30502	complete genome	Kirchoff,F.	Virology 177, 305-311 (1990)
CAM2	D00835	complete genome	Tristem,M.F.	J. Gen. Virol. 72, 721 (1991)
D194	J04542	complete genome	Kuehnel,H.	PNAS 86, 2383-2387 (1989)
GHI	M30895	complete genome	Hasegawa,A.	ARHR 5, 593-604 (1989)
KR	U22047	complete genome	Kraus,G.K.	PNAS 90 (9), 4226-4230 (1993)
MDS	Z48731	gag, pol, vif, tat, rev, env	Becker.M.	Unpublished
UC2	U38293	complete genome	Barnett,S.W.	Unpublished (1997)
UC1	L07625	complete genome	Barnett,S.W.	J. Virol. 67, 1006-1014, (1993)
D205	X61240	complete genome	Dierich Et Al,U.	ARHR 8, 1619 (1992)
EHOA	U27200	complete genome	Rey-Cuille,M.A.	Virology 202 (1), 471-476 (1994)
MM251	M19499	complete genome	Franchini,G.	Nature 328, 539-543 (1987)
MM1A11	M76764	complete genome	Luciw,P.A.	ARHR 8: 395-402 (1992)
MM32H	D01065	complete genome	Rud,E.W.	J. Gen. Virol. 75, 529 (1994)
MM316S	L22790	vif, vpx, vpr	Kodama,T.	J. Virol. 67, 6522-6534 (1993)
MM239	M33262	complete genome	Regier,D.A.	ARHR 6, 1221-1231 (1990)
MM142	M16403	complete genome	Chakrabarti,L.	Nature 328, 543-547 (1987)
MNE	M32741	complete genome	Benveniste,R.E.	Unpublished (1990)
SMMPB14,441A	M31325	complete genome	Dewhurst,S.	Nature 345, 636-640 (1990)
SMMH9	M80194	complete genome	Courgraud,V.	J. Virol. 66, 414-419 (1992)
SMMH4	X14307	complete genome	Hirsch,V.M.	Nature 339, 389-391 (1989)
SM62A	U04982	partial env, nef, tat, rev	Hirsch,V.M.	J. Virol. 68, 2649-2661 (1994)
STM	M83293	complete genome	Novembre,F.J.	Virology 186, 783-787 (1992)

```

CONSENSUS-A
ROD MtdPrretVpPpGnsGBeTtIgeaF?WldrLveEAInRPAVNH1PRELLIFQVWQBSM.rYMHDeGqms?SYTKRYRLcImQKA?fIH?kkgctClGgghGpG?W?Rp?GPPPPPPpPGLV?
NIH2 E-A-N-----H-----I-M-MYM-A-RDG-#-E-.-S#-----x
ISY -N--I-----E-D-----T-----V-M-F-----R-E-----S-----x
ST -AG-I-----E-I-L-----I-T-F-R--W-EDM-RE-#-#-----S-----x
BEN -R-----E-E-I-L-----A-----A-----#-----#-----x
CAM2 -E-A-----E-I-L-----Q-----V--F-R-----#-----x
D194 -A-R-----E-I-L-----T-----I--VY-F-----R-----x
GH1 -R-----I-L-----D-----P-----V--F-R-----S-----x
KR -A-K-----G-V-----A-E-M-----DL-Q-----R--Y-M--V-----S-----x
MDS -A-----EQ-A-----T-----MY-GR-----R-E-----S-----x
UC2 -R-----E-----I-L-----L-S-----M--L-----#-----x

```

```

CONSENSUS-B
UC1 .-.-R-----d--v-----E-itel--V-----i-----l-----M-V-yt--r--qE-----S-----A-
D205 .-.-R-----D--E-----ITEL--V-----C-A--RB-----S-----L-----M-V-yt--R--QE-----S-----Ax
EH0A .-.-R-----V--V-----A-E-ITEL--V-----K-A--RE-----I-----L-----M-V-yt--R--QE-----S-----Ax

```

```

CONSENSUS-SD
MM251 -s--rI-----e-n--e-----E-----Q--V-----i-----l--n-C--R--E--A-----A-
MM1A11 -S--RI-----E-N--E--E-----E-----P--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
MM32H -S--RI-----E-N--E--E-----E-----Q--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
MM316S -S--RI-----V--E-N--E--E-----E-----P--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
MM239 -S--RI-----E-N--E--E-----E-----P--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
MM142 -S--RI-----E-N--E--E-----E-----Q--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
MNE -S--RI-----E-N--E--E-----E-----Q--V-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
SMMPBJ14.441.A -S--RI-----D-----E-A-----R-E-----M--V-----I-----M-M-C--R--E--A-----Ax
SMNH9 -xx-xI-----xx-x-D-H-x-E--A-----x-----I-----L-M-C--R--E--A-----Ax
SMNH4 -S--RI-----K--E-N--E--E--A-----R-E-----M--E-----I-----L-V-C--R--E--E--A-----T-----Ax
SM62A -E-N--G--A-----R-E-----M--E-----I-----L-V-C--R--R--E--E--A-----T-----Ax

```

```

CONSENSUS-STM
STM -S--RI-----A-E-E-E-H--D-----D-----R--E-----PG--V-----I-----L-M-S-R--R--E--A-----Ax

```

< vif cds