

## HIV2/SIV VPR

Protein Alignment Summary Table (Vpr)

Name	Accession No.	Region	First Author	Reference
ROD	M15390	complete genome	Guyader,M.	Nature 326 (6114), 662-669 (1987)
NHIZ	J03654	complete genome	Zagury,J.F.	PNAS 85, 5941-5945 (1988)
ISY	J04498	complete genome	Franchini,G.	PNAS 86, 2433-2437 (1989)
ST	M31113	complete genome	Kumar,P.	J. Virol. 64, 890-901 (1990)
BEN	M30502	complete genome	Kirchoff,F.	Virology 177, 305-311 (1990)
CAM2	D00835	complete genome	Tristem,M.F.	J. Gen. Virol. 72, 721 (1991)
D194	J04542	complete genome	Kuehnel,H.	PNAS 86, 2383-2387 (1989)
GHI	M30895	complete genome	Hasegawa,A.	ARHR 5, 593-604 (1989)
U22047 KR	U22047	complete genome	Kraus,G.K.	PNAS 90 (9), 4226-4230 (1993)
MDS	Z48731	gag, pol, vif, tat, rev, nef, env	Becker,M.	Unpublished
UC2	U38293	complete genome	Barnett,S.W.	Unpublished (1997)
UC1	L07625	complete genome	Barnett,S.W.	J. Virol. 67, 1006-1014, (1993)
D205 HIV2ALIT	X61240	complete genome	Dietrich Et Al,U.	ARHR 8, 1619 (1992)
EHOA	U27200	complete genome	Rey-Cuille,M.A.	Virology 202 (1), 471-476 (1994)
MM251	M19499	complete genome	Franchini,G.	Nature 328, 539-543 (1987)
MM32H	D01065	complete genome	Rud,E.W.	J. Gen. Virol. 75, 529 (1994)
MM1A11	M76764	complete genome	Luciw,P.A.	ARHR 8: 395-402 (1992)
MM316S	L22790	vif, vpx, vpr	Kodama,T.	J. Virol. 67, 6522-6534 (1993)
MM239	M33262	complete genome	Regier,D.A.	ARHR 6, 1221-1231 (1990)
MM142	M16403	complete genome	Chakrabarti,L.	Nature 328, 543-547 (1987)
MNE	M32741	complete genome	Benveniste,R.E.	Unpublished (1990)
SMMMPBJ14,441 SMMMPBJ	M31325	complete genome	Dewhurst,S.	Nature 345, 636-640 (1990)
SIVSMMH9	M80194	complete genome	Courgnand,V.	J. Virol. 66, 414-419 (1992)
SMMH4	X14307	complete genome	Hirsch,V.M.	Nature 339, 389-391 (1989)
SM62A	U04982	partial env, nef, tat, rev	Hirsch,V.M.	J. Virol. 68, 2649-2661 (1994)
STM	M83293	complete genome	Novembre,F.J.	Virology 186, 783-787 (1992)

```

<- vpx cds
consensusus-A  MeEAPtEfpPpEdgTPpRepGdeWwvIdIkEiKEfAlKHfDPtLlAlGgYIY?RHGdTLfEgAReLIr?lQRAlf?HfRagC?SRiGqfRgmpI5AlPTPRGm?S
ROD -A- -L- -V- -L- -I- -I- -R- -K- -T- -K- -V- -T- -G- -H- -G- -N- -Q
NIH2 -L- -R- -A- -E- -R- -T- -R- -T- -A- -I- -A- -G- -H- -G- -H
ISY -A- -R- -R- -T- -Y- -T- -T- -Y- -T- -V- -T- -G- -H- -P- -N- -Q
ST S- -R- -R- -T- -R- -T- -N- -A- -G- -I- -L- -L- -G- -R- -P- -R
BEN -R- -DL- -SD- -T- -R- -Y- -HN- -KT- -V- -NR- -NR-
CAM2 -L- -R- -L- -ST- -T- -K- -D- -T- -GH- -A- -R- -V- -T- -NH- -G- -R- -S
D194 -R- -L- -GD- -R- -G- -L- -NR- -HS- -P- -V- -L- -NR- -S- -R- -T- -FP- -A- -Y
GH1 -A- -E- -G- -G- -LR- -TT- -N- -CA- -S- -NV- -V- -KI- -ET- -F- -Q
KR -L- -L- -G- -T- -RH- -T- -RS- -T- -RH- -T- -I- -T- -GH- -G- -S- -Q
MDS -M- -x- -L- -DC- -x- -R- -DN- -N- -N- -KI- -SM- -L- -V- -GSR- -S- -R- -T- -CP- -T- -H-
UC2

```

```

consensusus-B
-A- -ab- -i- -nen- -Q- -WE- -?dv- -E- -Q- -T- -NP- -S- -a- -G- -KI- -L- -OH- -PG- -G- -Ps$
UC1 -A- -AP- -T- -NBS- -Q- -WE- -EDVME- -Q- -R- -T- -NP- -S- -A- -G- -KI- -L- -OH- -PG- -G- -Ps
D205 -A- -AP- -I- -NEN- -Q- -WE- -IG- -E- -Q- -T- -NP- -S- -A- -G- -KI- -L- -OH- -SG- -G- -T- -P-
EH0A -A- -VP- -I- -KN- -Q- -WEQ- -VDV- -E- -Q- -T- -NP- -N- -N- -G- -KI- -L- -G- -OH- -PG- -G- -PSS$

```

```

consensusus-SD
... .e- -R- -EG- -q- -W- -V- -V- -e- -l- -t- -Nh- -n- -G- -I- -i- -g- -rH- -sg- -g- -t- -Ps- -VL-
MM251 -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -NH- -PG- -G- -T- -PS
MM32H -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -NH- -PG- -G- -T- -PS- -VL
MM1A11 -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -G- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -TH- -PG- -G- -PS- -S- L
MM316S -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -TH- -PG- -G- -x
MM239 -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -I- -S- -SH- -PG- -G- -T- -PS- -S- L
MM142 -... .E- -R- -NEG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -I- -M- -G- -I- -S- -SH- -PG- -G- -T- -PS- -S- L
MNE -... .E- -R- -EG- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -NH- -N- -G- -KI- -M- -G- -TH- -SG- -G- -T- -PS- -R- L
SMPBJ14.441 -... .R- -EA- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -N- -D- -G- -I- -I- -G- -RH- -SG- -G- -T- -PS- -VL
SMMH9 -... .R- -EA- -Q- -W- -xV- -V- -E- -x- -Nx- -T- -N- -D- -G- -I- -G- -I- -G- -RH- -SG- -x- -T- -Px- -VL
SMMH4 -... .A- -R- -EA- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -N- -D- -G- -I- -I- -S- -AH- -S- -G- -T- -PS- -VL
SM62A -... .A- -R- -EA- -Q- -W- -V- -V- -E- -L- -T- -N- -D- -G- -I- -I- -S- -AH- -S- -G- -T- -PS- -L-

```

```

consensusus-STM
... .HR- -EG- -Q- -W- -V- -V- -E- -Q- -R- -S- -N- -D- -G- -KI- -M- -G- -RH- -PG- -G- -AT- -PT- -VL
STM -... .HR- -EG- -Q- -W- -V- -V- -E- -Q- -R- -S- -N- -D- -G- -KI- -M- -G- -RH- -PG- -G- -AT- -PT- -VL

```